

SEQUENCE LISTING

<110> BRUGGEMANN, Marianne

<120> Genetically-modified non-human mammals and cells

<130> M0106.70004US00

<140> PCT/GB2004/000768

<141> 2004-02-26

<150> GB 0304374.2

<151> 2003-02-26

<160> 21

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1

<211> 64

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Forward primer BamHI - lox P - puro

<400> 1  
tttggatcca taacttcgta taatgtatgc tatacgaagt tatcgacctc gaaattctac 60

cggg 64

<210> 2

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Reverse primer oligo BclI - puro

<400> 2

tttgatcagc tgatctcggt cttcaggc

28

<210> 3

<211> 18

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Forward primer

<400> 3

aacctgacat gttcctcc

18

<210> 4

<211> 18

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Reverse primer

<400> 4

gggattagct gagtgtgg

18

<210> 5

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> P1 V000818f pri MIGHK01F forward primer that binds to the mu region

<400> 5  
agagccccct gtctgataag aatctgg 27

<210> 6

<211> 23

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> P2 Purinomycinr pri MIgHK02R reverse primer that binds to the mu  
region

<400> 6  
tggatgtgga atgtgtgcga ggc 23

<210> 7

<211> 23

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> P3 Neomycinf pri MIgHK03F forward primer that binds to the 3' enh  
ancer region

<400> 7  
tgctttacgg tatcgccgct ccc 23

<210> 8

<211> 22

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> P4 X96607r pri MIgHK04R reverse primer that binds to the 3' enhan  
cer region

<400> 8  
gagtcccat cccaaggct gg 22

<210> 9

<211> 23

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Cre forward primer

<400> 9

ggacatgttc agggatcgcc agg

23

<210> 10

<211> 23

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Cre reverse primer

<400> 10

gatagctggc tggtagcaga tgg

23

<210> 11

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Gamma 2a primer

<400> 11

gtagctattt ctttcaccc agttcttc

28

<210> 12

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Gamma 2a a reverse primer

<400> 12

gtagctattt ctttccaccc agttcttc

28

<210> 13

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Gamma 2a b reverse primer

<400> 13

gaaaagactt cctctttccc aagtgttc

28

<210> 14

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> DF forward primer

<400> 14

gcatgtctca aagcacaatg

20

<210> 15

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> DQ52 reverse primer

<400> 15

accctggaca caggaaacac

20

<210> 16

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> VJ558L forward primer

<400> 16

atgggatgga gctggatcct

20

<210> 17

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> VJ558CL forward primer

<400> 17

atggaatgga gctgggtcct

20

<210> 18

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> JH1-4 reverse primer

<400> 18

gagacdtga shrdrgtbcc tksrcc

26

<210> 19

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> lamin forward primer

<400> 19

gtatgaggcg gcactaaact ctaa

24

<210> 20

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> lamin reverse genomic primer

<400> 20

gaagccactg aagaacacaa atag

24

<210> 21

<211> 24

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> lamin reverse cDNA primer

<400> 21

tacgaaactc caagtcctca gtaa

24